运行效率：

开发效率：

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
|  | 基础模型（C） | 基础模型（Java） | 拓展模型（C） | 拓展模型（Java） |
| 系统初始化 | 363 | 220 | 503 | 328 |
| 核苷酸前体移动 | 28 | 22 | 41 | 31 |
| 核苷酸前体自然催化为核苷酸 | 45 | 39 | 27 | 15 |
| RNA随机连接 | 33 | 21 | 75 | 67 |
| RNA降解断裂 | 102 | 90 | 499 | 423 |
| RNA在模板指导下的连接 | 47 | 47 | 377 | 360 |
| RNA双链分开 | 29 | 24 | 51 | 37 |
| NR催化核苷酸前体 | 44 | 41 | 52 | 32 |
| RNA移动 | 88 | 32 | 73 | 14 |
| 记录结果 | 89 | 74 | 156 | 124 |
| 总行数 | 868 | 610 | 1854 | 1428 |
| 简化百分比 | 29.72% | | 22.98% | |

